

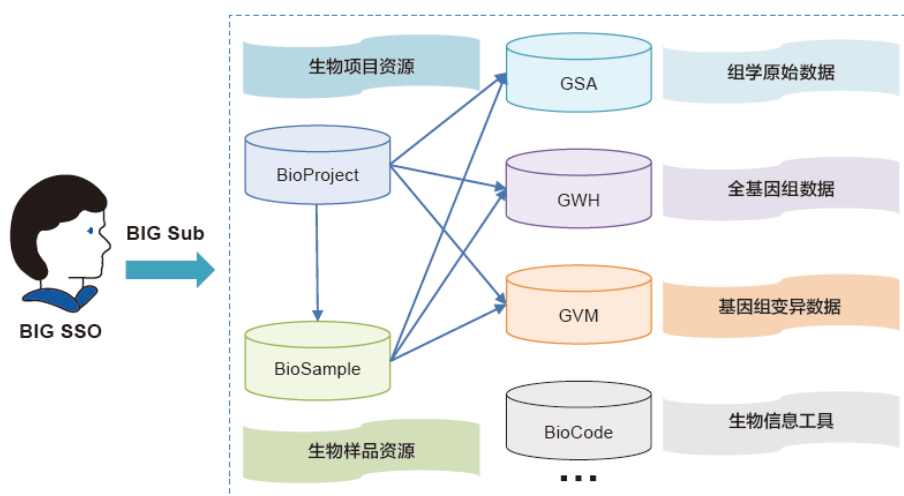


生物数据递交系统（BIG Sub）快速使用说明

| | |
|-------------|---|
| 系统简介..... | 2 |
| 用户注册..... | 2 |
| 使用指南..... | 4 |
| 数据文件上传..... | 5 |
| FTP 上传..... | 5 |
| 协助上传..... | 5 |

系统简介

生物数据递交系统（BIG Submission, BIG Sub）是大数据中心生物数据统一汇交入口，借助于单点登录（BIG Single Sign-On, BIG SSO）技术，BIG Sub 为用户提供一站式数据递交服务。目前已集成生物项目数据库（BioProject）、生物样本数据库（BioSample）、组学原始数据归档库（Genome Sequence Archive, GSA）、基因组数据库（Genome Warehouse, GWH）、基因组变异数据库（Genome Variation Map, GVM）和生物信息工具库（BioCode）等数据库的提交接口。



用户注册

请您进入生物数据递交系统（BIG Submission, BIG Sub, <http://bigd.big.ac.cn/gsub/>) 完成账号注册，建议**使用实验室公共邮箱进行注册**。如果您在账号注册和使用过程中遇到任何问题，请联系 bigd-admin@big.ac.cn。



Register Form

Account Login Information

Email*

Password*

Confirm password

Personal Information

First Name*

Middle Name

Last Name*

Street Address*

City*

State/Province

Postal Code*

Country

Institutional Information

Institute/Organization*

Department*

Lab

Title/Position

Research area

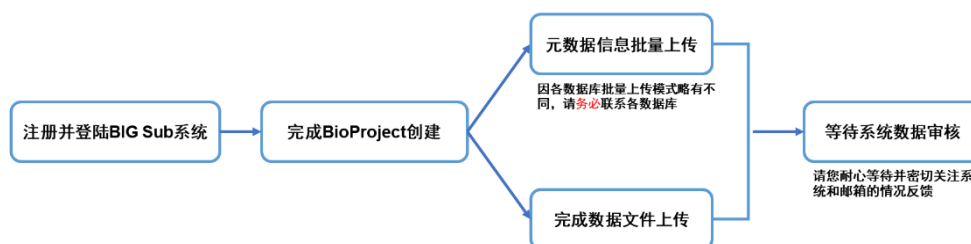


使用指南

如果用户需要向 Genome Sequence Archive、Genome Warehouse 或 Genome Variation Map 等数据库递交数据，当数据样品（Sample）数量 ≤ 10 个，建议您通过“在线模式”进行元数据信息录入，使用 [FTP 上传](#) 方式完成数据上传。这种方式后台审核速度更快，适合小体量用户，具体流程如下：



当数据样品（Sample）数量 ≥ 10 个，并希望采用“离线模式”进行元数据信息批量导入，请**务必**联系各数据库工作团队，工作团队会为您提供批量上传表格。同时，为了方便大体量用户数据上传，除了从本机进行 [FTP 上传](#) 外，您还可选择[协助上传](#)方式完成数据上传，具体流程如下：



如果您在各库数据递交过程中遇到任何问题，请联系各数据库工作组：

| 数据库名称 | 工作邮箱 | QQ 工作组 |
|-------------------------|--|---|
| BioProject | gsa@big.ac.cn | 548170081 |
| BioSample | | |
| Genome Sequence Archive | | |
| Genome Warehouse | gwh@big.ac.cn | 541196594 |
| Genome Variation Map | gvm@big.ac.cn | 468638108 |

数据文件上传

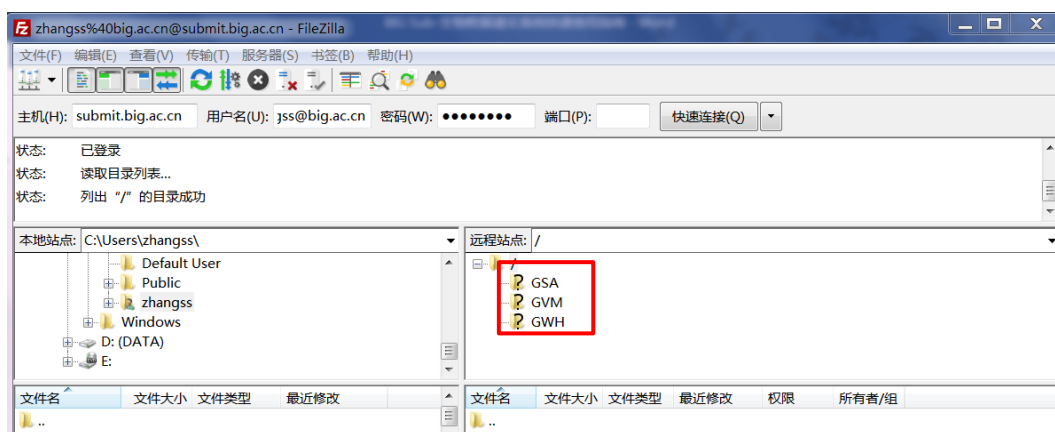
FTP 上传

请使用 FTP 客户端软件（比如 [FileZilla Client](#)）登录 FTP 服务器，用户账号与 BIG sub 账号一致。

FTP 服务器地址:

<ftp://submit.big.ac.cn>

注意：用户登录自己的 FTP 路径后，先 cd 到相应数据库目录下（如：/GSA, /GWH, /GVM）再上传文件。请采用二进制模式上传，如果是用 FTP 软件上传，请参考软件说明进行设置；如果是用 FTP 指令上传，请在 mput 指令前，先运行 binary 指令。



此外，数据上传完毕，并收到您的元数据信息后，后台系统将对你的数据进行相应的审核，请您耐心等待并密切关注系统和邮箱的情况反馈。

协助上传

考虑到大体量数据递交用户的需求，开启了硬盘寄送和协助上传的绿色通道。请您联系各数据库工作组，获取批量提交表格并将把数据硬盘寄送给各工作组。